



## **EJERCICIO DE INTERCOMPARACIÓN SLAGF 2019: INFORME DE RESULTADOS**

**ORGANIZAN:** QF Ixchel De La Luz (identidADN, México) – QF PhD Sinthia Pagano Siepierski (Delegada por Uruguay).

### **MUESTRAS REMITIDAS Y CARACTERISTICAS DEL EJERCICIO**

- 1) Cada laboratorio se identifica con un número, para mantener el anonimato.
- 2) Se remiten las siguientes muestras:
  - 2 muestras de hisopado bucal M1 y M2
  - 1 muestra de sangre en tarjeta FTA M3
  - 1 muestra de mezcla, de análisis OPTATIVO M4
  - 1 muestra de hueso, de análisis OPTATIVO M5
- 3) Además, se remite un EJERCICIO TEORICO
- 4) Se deberán enviar los REGISTROS GRAFICOS (ELECTROFEROGRAMAS) junto a los resultados.

### **ANALISIS A EFECTUAR**

Se trata de tipificar las muestras mediante los marcadores de uso habitual en el laboratorio participante. Debido a la complejidad de las muestras óseas, su resultado será incluido en el certificado SOLO PARA AQUELLOS LABORATORIOS QUE OBTENGAN RESULTADOS CORRECTOS (dentro del consenso) PARA M4 y M5. Para el resto, solamente se incluirá la evaluación de M1 a M3 y el resultado del ejercicio teórico.

### **EJERCICIO TEORICO:**

- 1) Se resolverán ejercicios basados en casos reales y se deberán contestar las preguntas planteadas.
- 2) Exprese las CONCLUSIONES tal como lo hace en su laboratorio.
- 3) A solo efecto del EJERCICIO TEORICO, debe consultarse el documento “2015 FBI Population Data for the expanded CODIS core STR loci”, que se encuentra en <https://ucr.fbi.gov/lab/biometric-analysis/codis/expanded-fbi-str-2015-final-6-16-15.pdf> y emplear la tabla de frecuencias poblacionales del hispanos del suroeste “SW Hispanics 2015 Expanded FBI STR Loci Allele Frequencies”, tabla que se envió en un documento adjunto.

### **RESUMEN DE PARTICIPACION**

Laboratorios que han enviado resultados: 29

- Ejercicio teórico: 29
- Ejercicio práctico STRs autosómicos muestras M1, M2 y M3: 19

- Ejercicio práctico STRs autosómicos muestra M4: 12
- Ejercicio práctico STRs autosómicos muestra M5: 11
- Ejercicio práctico Y-STRs muestras M1, M2 y M3: 14
- Ejercicio práctico Y-STRs muestra M4: 8
- Ejercicio práctico Y-STRs muestra M5: 9

### VALORES CONSENSO MARCADORES AUTOSOMICOS Y AMELOGENINA M1, M2, M3

N = número total de participantes que analiza cada marcador

n = número de participantes con consenso para cada marcador

NC = no corresponde

Marcador	N	n	%con senso	M1		M2		M3	
				1	2	1	2	1	2
D3S1358	19	19	100	15	15	15	18	15	15
vWA	19	18	95	16	16	16	16	15	17
D16S539	19	19	100	11	12	11	12	12	13
CSF1PO	19	19	100	11	12	10	11	10	11
TPOX	19	19	100	8	12	8	8	8	8
D8S1179	19	19	100	13	15	12	14	12	14
D21S11	19	18	95	29	30	29	30	32.2	33.2
D18S51	19	19	100	15	17	14	17	13	15
D2S441	19	18	95	11	14	14	14	10	12
D19S433	19	19	100	12	17	13.2	15	12	14.2
TH01	19	19	100	6	9.3	7	9	6	6
FGA	19	19	100	22	26	22	24	25	27
D22S1045	19	17	89	11	15	15	15	15	16
D5S818	19	18	95	11	11	11	11	11	12
D13S317	19	19	100	8	10	8	12	12	13
D7S820	19	19	100	11	12	11	12	8	10
SE33	6	5	83	14.2	15	21.2	30.2	17	26.2
D10S1248	19	19	100	14	16	14	14	14	15
D1S656	19	14	74	13	18	18	19.3	16.3	17
D2S1338	19	19	100	17	23	17	23	19	19
D6S1043	5	5	100	11	12	12	14	14	17
F13B	4	4	100	9	10	10	10	9	10
D12S391	14	14	100	20	22	20	22	21	22
LPL	3	3	100	10	13	10	13	9	10
F13A01	3	3	100	4	5	4	7	3.2	6
Penta D	18	18	100	9	10	9	13	11	12
Penta C	3	3	100	11	13	9	11	9	11
Penta E	18	18	100	7	14	12	18	12	12
Amelogenina	18	18	100	X	Y	X	Y	X	Y

## VALORES CONSENSO M4

N = número total de participantes que analiza cada marcador

n = número de participantes con consenso para cada marcador

NC = no corresponde

Marcador	N	n	% consenso	M4
D3S1358	11	11	100	15,16
vWA	12	12	100	14,17
D16S539	12	12	100	9, 11, 12
CSF1PO	12	12	100	10, 12, 13, 14
TPOX	12	12	100	10, 11, 12
D8S1179	12	12	100	11, 13, 14
D21S11	12	12	100	28, 29, 31.2
D18S51	12	12	100	12, 15, 20
D2S441	12	10	83	11, 11.3, 14
D19S433	12	12	100	12, 14, 17
TH01	12	12	100	6, 8, 9.3
FGA	12	12	100	24, 25, 26
D22S1045	12	10	83	15, 16
D5S818	12	12	100	11, 12, 13
D13S317	12	12	100	9, 10, 12
D7S820	12	12	100	8, 9, 10, 11
SE33	4	4	100	17, 20, 31.2
D10S1248	12	12	100	14, 15, 16
D1S656	12	12	100	11, 13, 14, 15
D2S1338	12	12	100	19, 22, 23
D6S1043	3	3	100	12, 22.3, 14, 18
F13B	2	2	NC	
D12S391	10	8	80	17, 18.3, 20, 22
LPL	1	1	NC	
F13A01	1	1	NC	
Penta D	11	11	100	10, 11, 15
Penta C	1	1	NC	
Penta E	11	11	100	10, 13, 16
Amelogenina	11	11	100	XY

## VALORES CONSENSO M5

N = número total de participantes que analiza cada marcador

n = número de participantes con consenso para cada marcador

NC = no corresponde

Marcador	N	n	% consenso	M5	
				1	2
D3S1358	12	10	83	15	15
vWA	12	10	83	16	18
D16S539	12	10	83	10	13
CSF1PO	12	10	83	11	12
TPOX	12	10	83	8	11
D8S1179	12	10	83	13	15
D21S11	12	10	83	29	31
D18S51	12	10	83	14	19
D2S441	12	10	83	10	10
D19S433	12	10	83	14	14
TH01	12	10	83	6	9.3
FGA	12	10	83	21	21
D22S1045	12	10	83	15	16
D5S818	12	10	83	11	12
D13S317	12	10	83	11	13
D7S820	12	10	80	8	12
SE33	3	3	100	18	19
D10S1248	10	9	90	15	15
D1S656	10	9	90	11	13
D2S1338	10	9	90	18	24
D6S1043	3	3	100	13	21.3
F13B	3	3	100	9	9
D12S391	6	6	100	16	20
LPL	2	2	NC	-	-
F13A01	2	2	NC	-	-
Penta D	12	10	83	10	11
Penta C	2	2	NC	-	-
Penta E	12	10	83	11	16
Amelogenina	11	11	100	X	Y

## VALORES CONSENSO MARCADORES Y-STRs M1, M2, M4 Y M5

A excepción del sistema DYS 392, 100% consenso.

Marcador	M1	M2	M3	M4	M5
DYS391	11	11	10	10	10
DYS389I	13	13	12	13	13
DYS439	12	12	11	11	11
DYS389II	29	29	26	29	29
DYS438	12	12	11	12	11
DYS437	15	15	14	15	15
DYS19	14	14	16	14	13
DYS392 (10 labs)	13.1	13.1	14	13	13
DYS392 (3 labs)	13	13	14	13	13
DYS393	13	13	13	13	13
DYS390	24	24	24	24	25
DYS385a/b	11,15	11,15	14,16	11,14	11
DYS576	21	21	18	18	17
DYS448	19	19	19	19	18
DYS481	22	22	23	22	22
DYS549	14	14	12	13	12
DYS533	13	13	10	12	13
DYS570	16	16	17	15	17
DYS635	23	23	23	23	23
DYS643	10	10	10	10	9
DYS458	17	17	15	16	17
DYS456	16	16	13	16	17
Y-GATA-H4	12	12	12	12	11

ESTUDIO TEORICO DE PARENTESCO (N = 28)

## **CONCLUSIONES**

Las discrepancias obtenidas serán evaluadas durante las X Jornadas de la SLAGF.

*28 de agosto de 2019*

*QF-PhD Sinthia Pagano Siepierski*

*QF Ixchel De La Cruz*